

Cennik świadczeń zdrowotnych udzielanych przez Uniwersytecki Szpital Dziecięcy w Lublinie

4. DZIAŁ DIAGNOSTYKI GENETYCZNEJ

Lp.	Nazwa badania	Cena badania [w zł]
	Diagnostyka zmian germinalnych (wrodzonych)	
1	Analiza kariotypu komórek krwi - identyfikacja zmian germinalnych	660,00
2	Potwierdzenie translokacji pomiędzy chromosomami 2 sondami malującymi - metodą FISH	590,00
3	Badanie sondą centromerową - metodą FISH	620,00
4	Badanie genu/locus SRY metodą FISH	560,00
5	Optyczne mapowanie genomu - OGM (krew obwodowa)	5 000,00
6	Izolacja DNA z krwi obwodowej wraz z oceną ilościowo-jakościową i archiwizacją materiału genetycznego	150,00
7	Izolacja DNA z wymazu z nabłonka jamy ustnej wraz z oceną ilościowo-jakościową i archiwizacją materiału genetycznego	200,00
8	Izolacja DNA z fragmentu tkanki wraz z oceną ilościowo-jakościową i archiwizacją materiału genetycznego	200,00
9	Izolacja RNA z fragmentu tkanki wraz z oceną ilościowo-jakościową i archiwizacją materiału genetycznego	250,00
10	Badanie obecności delecji/duplikacji metodą MLPA z wybranym zestawem sond molekularnych	650,00
11	Badanie obecności delecji/duplikacji wraz oceną statusu metylacji metodą MS-MLPA	750,00
12	Ocena chimeryzmu maczyno- płodowego w krwi obwodowej oraz subpopulacji limfocytów T (CD3+)	1 460,00
13	Badanie metodą mikromacierzy całogenomowej o wysokiej rozdzielczości (SNP Array 750K)	1 945,00
14	Badanie metodą mikromacierzy całoksomowej o wysokiej rozdzielczości (SNP Array XON)	3 200,00
15	Badanie metodą mikromacierzy całogenomowej o wysokiej rozdzielczości (SNP Array CytoScan HD)	3 000,00
16	Sekwencjonowanie dowolnego, pojedynczego fragmentu DNA jądrowego (nDNA) lub cDNA o wielkości do 800 pz metodą Sangera. Genotypowanie w zakresie pojedynczego wariantu lub badanego regionu.	400,00
17	Sekwencjonowanie dowolnego, pojedynczego fragmentu DNA mitochondrialnego (mtDNA) o wielkości do 800 pz metodą Sangera. Genotypowanie w zakresie pojedynczego wariantu lub badanego regionu. /Badanie pojedynczego fragmentu mtDNA techniką sekwencjonowania metodą Sangera	470,00
18	Analiza mutacji dynamicznej genu <i>FMR1</i> w pełnym zakresie powtórzeń tripletu CGG. Badanie w kierunku zespołu łamliwego chromosomu X (Fra-X) oraz innych zespołów <i>FMR1</i> -zależnych	476,00
19	Badanie predyspozycji do rozwoju celiakii. Ocena haplotypu HLA-DQ	417,00
20	Badanie genetyczne w kierunku trombofilii. Genotypowanie w zakresie 3 wariantów podwyższonego ryzyka	471,00
21	Jakościowa ocena delecji/duplikacji o wielkości od kilkunastu do kilku tysięcy par zasad metodą PCR/Long-range PCR.	450,00

4. DZIAŁ DIAGNOSTYKI GENETYCZNEJ

Lp.	Nazwa badania	Cena badania [w zł]
22	Sekwencjonowanie klinicznego panelu genów (7551 genów + mtDNA) metodą NGS.	2 700,00
23	Sekwencjonowanie panelu wybranych genów z zakresem analizy zależnym od rozpoznania klinicznego metodą NGS.	3 500,00
24	Sekwencjonowanie eksomu (WES) z zakresem analizy zależnym od rozpoznania klinicznego metodą NGS.	4 200,00
Diagnostyka zmian somatycznych (nabytych)		
25	Izolacja i zabezpieczanie DNA ze szpiku kostnego/ z fragmentu tkanki wraz z oceną ilościowo-jakościową i archiwizacją materiału genetycznego	200,00
26	Izolacja RNA ze szpiku kostnego/krwi obwodowej wraz z syntezą cDNA oraz archiwizacją materiału genetycznego.	200,00
27	Izolacja DNA z boczka parafinowego (FFPE) wraz z oceną ilościowo-jakościową i archiwizacją materiału genetycznego	250,00
28	Izolacja RNA z boczka parafinowego (FFPE) wraz z oceną ilościowo-jakościową i archiwizacją materiału genetycznego	250,00
29	Podstawowa diagnostyka genetyczna w B-ALL (BCR::ABL1; KMT2A, TCF3, ETV6::RUNX1 metodą FISH; analiza kariotypu identyfikacja zmian somatycznych)	3 400,00
30	Podstawowa diagnostyka cytogenetyczna w T-ALL (BCR::ABL1; KMT2A, ETV6 metodą FISH; analiza kariotypu identyfikacja zmian somatycznych)	2 900,00
31	Oznaczenie statusu IKZF1plus - wysokorozdzielcza mikromacierz kliniczna CytoScan HD	2 400,00
32	Badanie całogenomowe zmian liczby kopii metodą wysokorozdzielczych mikromacierzy SNP	3 000,00
33	Analiza kariotypu komórek nowotworowych - identyfikacja zmian somatycznych	790,00
34	Badanie rearanżacji genów BCR::ABL1 - metodą FISH	620,00
35	Badanie rearanżacji genu KMT2A - metodą FISH	620,00
36	Badanie badanie genu partnerskiego dla KMT2A: KMT2A: KMT2A::AFF1	650,00
37	Badanie rearanżacji genów ETV6::RUNX1 t(12;21) - metodą FISH	620,00
38	Badanie rearanżacji genu TCF3 - metodą FISH	620,00
39	Badanie genu partnerskiego dla TCF3: TCF3::PBX1 t(1;19); TCF3::HLF t(17;19) - metodą FISH; koszt jednostkowy badania za każdy gen partnerski	700,00
40	Badanie rearanżacji genów IGH::IL3 t(5;14) - metodą FISH	620,00
41	Badanie rearanżacji genetycznych określających profil Ph-like w B-ALL: CRLF2 (Xp22.33/Yp11.2), IGH (14q32.33), JAK2 (9p24.1), PDGFRB (5q32), ABL1 (9q34.12), ABL2 (1q25.2), EPOR (19p13.2), NTRK3 (15q25.3), CSF1R(5q32) - metodą FISH; koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	620,00
42	Badanie sygnatury JAK-STAT: IGH::CRLF2-t(X;14); P2RY8::CRLF2; IGH::EPOR t(14;19) - metodą FISH, koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	650,00
43	Badanie rearanżacji innych specyficznych genów ETV6 (12p13.2); ZNF384 (12p13.31); MEF2D (1q22); EBF1 (5q32); NUP214 (9q34.13); PAX5 (9p13.2); MYC (8q24) - metodą FISH; koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	620,00
44	Zaawansowana diagnostyka genetyczna w T-ALL: STIL (1p33);TAL1(1p33);TCRAD (14q11.2);TCRB (7q34);TCL1 (14q32.13);TLX1 (10q24.1);TLX3 (5q35.1);LMO1 (11p15.4);LMO2 (11p13);MYB (6q23); BCL11B (14q32.2); PICALM::MLLT10 t(10;11) - metodą FISH; koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	620,00

4. DZIAŁ DIAGNOSTYKI GENETYCZNEJ

Lp.	Nazwa badania	Cena badania [w zł]
45	Badanie rearanżacji genów typowych dla chłoniaka IGH::MYC-t(8;14); IGK::MYC-t(2;8); IGL::MYC-t(8;22) - metodą FISH; koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	650,00
46	Podstawowa diagnostyka genetyczna w AML (BCR::ABL1; KMT2A metodą FISH; analiza kariotypu identyfikacja zmian somatycznych)	2 000,00
47	Badanie rearanżacji genów tyowych dla AML: RUNX1::RUNX1 t(8;21) (AML M2); PML::RARA t(15;17) (AML M3); CBFβ::MYH11 inv16/t(16;16) (AML M4); RBM15::MRTF1 (1;22) (AML M7) - metodą FISH, koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	650,00
48	Badanie rearanżacji genów DEK::NUP214 t(6;9); FUS::ERG t(16;21); GLIS2::CBFA2T3 inv(16); MECOM (3q26.2); NUP98::NSD1 t(5;11); NUP98::KDM5A t(11;12); ETV6::MNX1 t(7;12)(q36;p13); KAT6A (8p11) - metodą FISH; koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	650,00
49	Podstawowa diagnostyka genetyczna w MDS (aberracje chromosomów 5, 7 oraz 8 metodą FISH; analiza kariotypu identyfikacja zmian somatycznych)	2 200,00
50	Badanie w kierunku monosomii chromosomu 5 (MDS) - metodą FISH	620,00
51	Badanie w kierunku monosomii chromosomu 7 (MDS) - metodą FISH	650,00
52	Badanie w kierunku trisomii chromosomu 8 (MDS) - metodą FISH	620,00
53	Badanie w kierunku delecji 20q (MDS) - metodą FISH	620,00
54	Badanie rearanżacji genu PDGFRA (4q12); FIP1L1::PDGFRA (4q12); JAK2 (9p24.1), PDGFRB (5q32), FGFR1 (8p11.23); TP53 (17p13), FLT3 (13q12), RB1 (13q12) - metodą FISH; koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację	650,00
55	Analiza wybranych mutacji genów JAK2, CALR, MPL techniką sekwencjonowania metodą Sangera dla pojedynczej osoby (JMML, PV, ET, PMF i inne MPN BCR::ABL1 - negative)	1 500,00
56	Analiza ilościowa wybranych mutacji genów JAK2, MPL, CALR techniką dPCR/RQ-PCR dla pojedynczej osoby (JMML, PV, ET, PMF i inne MPN BCR::ABL1 - negative)	700,00
57	Sekwencjonowanie dowolnego, pojedynczego fragmentu DNA jądrowego (nDNA) o wielkości do 800 pz metodą Sangera. Genotypowanie w zakresie pojedynczego wariantu somatycznego	400,00
58	Analiza 51 fuzji genowych w chorobach rozrostowych szpiku kostnego metodą qPCR	800,00
59	Badanie w kierunku amplifikacji genu MYCN (Neuroblastoma) metodą FISH - odcisk guza	980,00
60	Badanie w kierunku amplifikacji genu MYCN (Neuroblastoma) metodą FISH - skrawki parafinowe	1 450,00
61	Analiza sekwencji eksonu 23 oraz 25 genu ALK w tym ocena wariantów patogennych c.3824G>A oraz c.3520T>C metodą Sangera	700,00
62	Optyczne mapowanie genomu - OGM (szpik kostny)	5 000,00
63	Badanie całogenomowe zmian liczby kopii metodą wysokorozdzielczych mikromacierzy SNP - tkanka guza (Neuroblastoma)	3 000,00
64	Badanie sondą centromerową - metodą FISH	620,00
65	Potwierdzenie translokacji pomiędzy chromosomami 2 sondami malującymi metodą FISH	590,00

4. DZIAŁ DIAGNOSTYKI GENETYCZNEJ

Lp.	Nazwa badania	Cena badania [w zł]
66	Diagnostyka guzów kości (mięsak Ewinga) - badanie rearanżacji genów EWSR1::FLI1/EWSR1 BA - metodą FISH- skrawki parafinowe	695,00
67	Diagnostyka guzów kości (mięsak Ewinga) - badanie uzupełniające rearanżacji genu EWSR1 (EWSR1::ERG, ETV1 BA, ETV4 BA, PATZ1 BA) - metodą FISH, koszt jednostkowy badania za każdy gen partnerski- skrawki parafinowe	795,00
68	Diagnostyka guzów kości (mięsak Ewinga) - badanie rearanżacji genu FUS (FUS::ERG/FUS BA) - metodą FISH- skrawki parafinowe	795,00
69	Diagnostyka guzów kości (mięsak Ewinga) - badanie rearanżacji genu CIC (CIC BA,CIC::DUX4, FOXO4 BA) - metodą FISH- skrawki parafinowe	795,00
70	Diagnostyka guzów kości (mięsak Ewinga) - badanie rearanżacji genu BCOR (BCOR BA, MAML3 BA, BCOR::CCNB3) - metodą FISH, koszt jednostkowy badania za jedną rearanżację- skrawki parafinowe	795,00
71	Diagnostyka guzów kości (mięsak kościopochodny - osteosarcoma) - badanie amplifikacji genów MDM2/CDK4/12cen- metodą FISH- skrawki parafinowe	795,00
72	Diagnostyka guzów kości - diagnostyka uzupełniająca - badanie rearanżacji genów HEY1::NCOA2- skrawki parafinowe	795,00
73	Diagnostyka guzów kości (mięsak Ewinga) - diagnostyka uzupełniająca - badanie rearanżacji genu ERG BA- skrawki parafinowe	990,00
74	Identyfikacja somatycznych zmian SNV, indel oraz fuzji genowych z wykorzystaniem sekwencjonowania RNA metodą NGS	4 000,00
75	Identyfikacja zmian somatycznych typu indel, SNV, CNV, ocena statusu MSI, HRD, TMB z wykorzystaniem sekwencjonowania DNA metodą NGS (panel 430 genów - panel onkologiczny)	5 000,00
76	Badanie metodą SKY-FISH	1 150,00
Diagnostyka w allo-HSCT		
77	Badanie chimeryzmu metodą FISH	665,00
78	Badanie chimeryzmu komórkowego po allo-HSCT	790,00
79	Badanie chimeryzmu komórkowego po allo-HSCT w subpopulacji CD3+,CD19+, CD15+,CD33+	825,00
80	Typowanie markera genetycznego dla biorcy oraz dawcy przed przeszczepem	1 580,00

Lublin, dnia 01.03.2026 r.